

# ANÁLISIS ESTRUCTURAL DE LAS SUBPOBLACIONES DE LA RAZA CANINA CA DE BESTIAR

José Manuel Alanzor Puente <sup>1</sup>, Águeda Laura Pons Barro <sup>1</sup>, Juan Vicente Delgado Bermejo <sup>2</sup>, Carmen Marín Navas <sup>2</sup> y Francisco Javier Navas González <sup>2</sup>.

<sup>1</sup> Serveis de Millora Agrària i Pesquera (SEMILLA), Departamento de Producción Agraria del Área Técnica Agraria, Conselleria d'Agricultura Pesca i Alimentació, Govern Illes Balears, España; <sup>2</sup> Departamento de Genética, Universidad de Córdoba, España.

## INTRODUCCIÓN

El Ca de Bestiar es una raza canina autóctona de las Illes Balears, sus orígenes indefinidos se vinculan a dos teorías, una proveniente del perro Alano y otra de procedencia de los perros mastines. Su aptitud funcional en la actualidad va ligada a un perro pastor de diferentes especies animales, en la que destacaría el ganado ovino, y también como perro guardián en defensa de las propiedades de su amo.

## MATERIAL Y MÉTODOS

La identificación de potenciales subpoblaciones se realizó sobre la población histórica (385) de la raza canina Ca de Bestiar (191 ♂ y 194♀) y para ellos se ha analizado la estructura de las subpoblaciones teniendo en cuenta los criterios de propietario (183), criador (17). Los parámetros de diversidad genética y demográfica se han evaluado utilizando el software ENDOG (v4.8) y el software CFC en todos los conjuntos de datos.



## CONCLUSIONES

Estos resultados revelaron que los criadores y propietarios con sus prácticas de apareamiento están aumentando la diversidad genética y contribuyendo a que la consanguinidad de la raza no esté aumentando, debido en gran parte a la atomización de la población canina, es decir la fragmentación de la población en muchos propietarios con pocos ejemplares cada uno.

## RESULTADOS

Teniendo en cuenta estos criterios se observó que ninguno de los criterios actuaba como núcleo poblacional y ninguna subpoblación estaba totalmente aislada.

Subpoblaciones	% Transmiten diversidad genética	% Sólo reciben diversidad genética	Mínimo % de padres foráneos utilizados
Criador	28,57%	71,43%	63,1%
Propietario	80%	20%	81,25%

